

薬生審査発 1208 第 1 号
平成 27 年 12 月 8 日

各都道府県衛生主管部（局）長 殿

厚生労働省医薬・生活衛生局審査管理課長
（ 公 印 省 略 ）

医薬品の一般的名称について

標記については、「医薬品の一般的名称の取扱いについて（平成 18 年 3 月 31 日薬食発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局長通知）」等により取り扱っているところであるが、今般、我が国における医薬品一般的名称（以下「JAN」という。）について、新たに別添のとおり定めたので、御了知の上、貴管下関係業者に周知方よろしく御配慮願いたい。



（参照）

日本医薬品一般名称データベース：URL <http://jpd.db.nihs.go.jp/jan/Default.aspx>

（別添の情報のうち、JAN 以外の最新の情報は、当該データベースの情報で対応することとしています。）

(別表2) INN に収載された品目の我が国における医薬品一般的名称

(平成 18 年 3 月 31 日薬食審査発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表2)

登録番号 25-1-B14

JAN (日本名) : セベリパーゼ アルファ (遺伝子組換え)

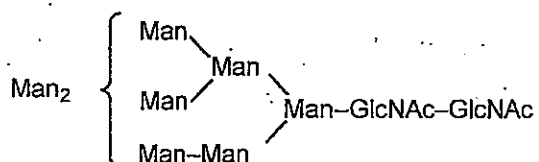
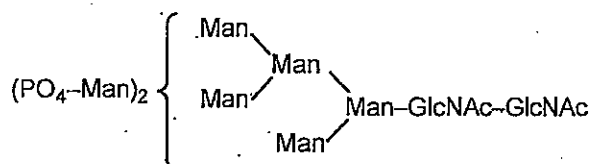
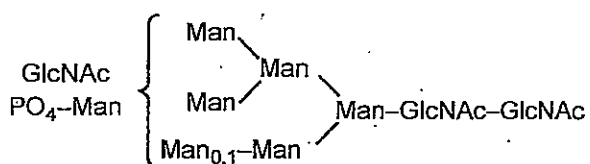
JAN (英名) : Sebelipase Alfa (Genetical Recombination)

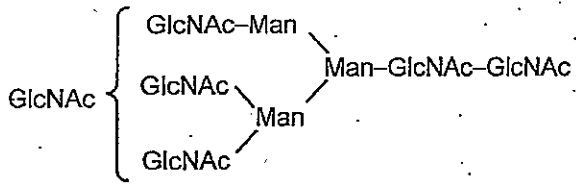
アミノ酸配列

SGGKLTAVDP ETNMNVSEII SYWGFPSSEY LVETEDGYIL CLNRIPHGGRK
 NHSDKGPKEV VFLQHGLLAD SSNWVTNLAN SSLGFILADA GFDVWVGNSR
 GNTWSRKHKT LSVSQDEFWA FSYDEMAKYD LPASINFILN KTGQEQVYYV
 GHSQGTTFGF IAFSQIPELA KRIKMFFALG PVASVAFCTS PMAKLGRLPD
 HLIKDLFGDK EFLPQSAFLK WLGTHVCTHV ILKELCGNLC FLLCGFNERN
 LNMSRVDVYT THSPAGTSVQ NMLHWSQAVK FQKFQAFDWG SSAKNYPHYN
 QSYPTYNVK DMLVPTAVWS GGHDWLADV DVNILLTQIT NLVVFHESIPE
 WEHLDFIWGL DAPWRLYNKI INLMRKYQ

N15, N51, N80, N140, N252, N300 : 糖鎖結合

主な糖鎖の推定構造





C₁₉₆₈H₂₉₄₅N₅₀₇O₅₅₁S₁₅ (タンパク質部分)

セベリパーゼ アルファは、トランスジェニックニワトリの卵白中に産生される遺伝子組換えヒトリソーム酸性リパーゼであり、378 個のアミノ酸残基からなる糖タンパク質 (分子量: 約 55,000) である。

Sebelipase Alfa is a recombinant human lysosomal acid lipase produced in egg white from transgenic Gallus, which is a glycoprotein (molecular weight: ca. 55,000) consisting of 378 amino acid residues.

登録番号 25-1-B36

JAN (日本名) : ノナコグ ベータ ペゴル (遺伝子組換え)

JAN (英名) : Nonacog Beta Pegol (Genetical Recombination)

アミノ酸配列及びジスルフィド結合 :

YNSGKLEEFV QGNLERECME EKCSFEEARE VFENTERTTE FWKQYVDGDQ
CESNPCLNGG SCKDDINSYE CWCPFGFEGK NCEL DVTCNI KNGRCEQFCK
NSADNKVVCS CTEGYRLAEN QKSCEPAVPP PCGRVSVSQT SKLTRAEAVF
PDVDYVNSTE AETILDNITQ STQSFNDFTR VVGGEDAKPG QFPWQVVLNG
KVDAFCGGSI VNEKWIIVTAA HCVETGVKIT VVAGEHNIEE TEHTEQKRNV
IRIIPHHNYN AAINKYNHDI ALLELDEPLV LNSYVTPICI ADKEYTNIFL
KFGSGYVSGW GRVFKGRSA LVLQYLRVPL VDRATCLRST KFTIYNNMFC
AGFHEGGRDS CQGD SGPHV TEVEGTSFLT GIISWGEECA MKGKYGIYTK
VSRYVNWIKE KTKLT

N157, N167 : 糖鎖結合及びPEG化部位

S53, S61, S163, T159, T169 : 糖鎖結合

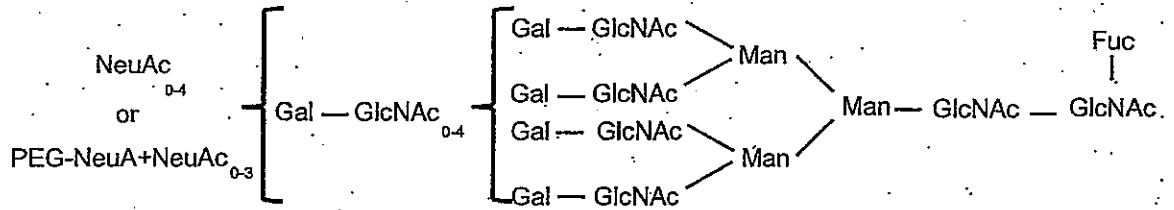
E7, E8, E15, E17, E20, E21, E26, E27, E30, E33*, E36*, E40* : γ -カルボキシルグルタミン酸 (* : 部分的)

Y155 : 部分的硫酸化

D64 : 部分的ベータ-水酸化

主な糖鎖の推定構造：

N157, N167



S53

Xyl-Xyl-Glc

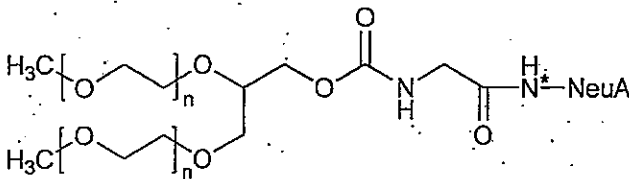
S61

NeuAc — Gal — GlcNAc — Fuc

T159, T163, T169 (一部糖化)

NeuAc₀₋₂ { Gal — GalNAc

ポリエチレングリコールの結合様式：



*NeuAのアミノ基

C₂₀₄₁H₃₁₁₄N₅₅₈O₆₄₁S₂₅ (タンパク質部分)

ノナコグ ベータ ペゴルは、遺伝子組換えヒト血液凝固第IX因子類縁体（分子量：約 98,000）であり、Asn157 または Asn167 に付加している糖鎖の平均一つの非還元末端に2本のポリエチレングリコール鎖（合計の平均分子量：約 42,000）がアミノ基に結合したノイラミン酸が結合している。糖タンパク質部分は、415 個のアミノ酸からなり、チャイニーズハムスター卵巣細胞から産生される。

Nonacog Beta Pegol is a recombinant human blood coagulation factor IX analogue (molecular weight: ca. 98,000) in which an average of one non-reducing end of a glycan at Asn157 or Asn167 is attached to neuraminic acid conjugated to two polyethylene glycol polymers (total average molecular weight of the polymers: ca. 42,000) via the amino group. The glycoprotein moiety containing 415 amino acid residues is produced in Chinese hamster ovary cells.

登録番号：26-1-B15

JAN (日本名)：ツロクトコグ アルファ ペゴル (遺伝子組換え)

JAN (英名)：Turoctocog Alfa Pegol (Genetical Recombination)

PEG 化部位：

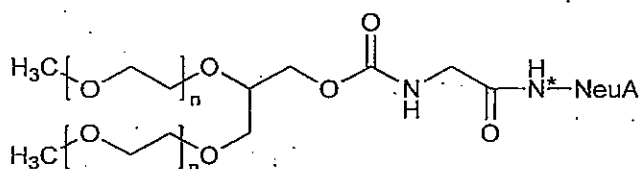
H 鎖 S750

主な糖鎖の推定構造：

H 鎖 S750

PEG-NeuA-Gal-GalNAc

ポリエチレングリコールの結合様式：



*NeuAのアミノ基

C7480H11381N1999O2177S62 (タンパク質部分, 2本鎖)

H 鎖 C3927H5981N1043O1151S29

L 鎖 C3553H5400N956O1026S33

ツロクトコグ アルファ ペゴルは、修飾糖タンパク質 (分子量：約 216,000) であり、ツロクトコグ アルファ (遺伝子組換え) の Ser750 に付加している糖鎖の非還元末端に 2 本のポリエチレングリコール鎖 (合計の平均分子量：約 40,000) がアミノ基に結合したノイラミン酸が結合している。

Turoctocog Alfa Pegol is a modified glycoprotein (molecular weight: ca. 216,000) in which non-reducing end of a glycan at Ser750 of Turoctocog Alfa (Genetical Recombination) is attached to neuraminic acid conjugated to 2 polyethylene glycol polymers (total average molecular weight of the polymers: ca. 40,000) via the linker.

登録番号 26-3-B1

JAN (日本名) : ダモクトコグ アルファ ペゴル (遺伝子組換え)

JAN (英名) : Damoctocog Alfa Pegol (Genetical Recombination)

アミノ酸配列及びジスルフィド結合:

H鎖

ATTRYYLGAV ELSWDYMQSD LGELPVDARF PPRVPKSFPP NTSVVYKRTL
FVEFTDHLFN IAKPRPPWVG LIGPTIQAEV YDTVVITLKN MASHPVSLHA
VGVSYWKASE GAEYDDQTSQ REKEDDKVFP GGSHTYVWQV LKENGPMASD
PLCLTYSYLS FVDLVKDLNS GLIGALLVCR EGSLAKEKTQ TLHKFILLFA
VFDEGKSWHS ETKNSLMQDR DAASARAWPK MHTVNGYVNR SLPGLIGCHR
KSVYWHVIGM GTTPEVHSIF LEGHTFLVRN HROASLEISP ITFLTAQTLL
MDLQGFLLFC HISSHQHDGM EAYVKVDSCP EEPQLRMKNN EEAEDYDDDL
TDSEMDVVRV DDDNSPSFIQ IRSVAKKHPK TWVHYIAAEE EDWDYAPLVL
APDDRSYKSQ YLNNGPQRIG RKYKKVRFMA YTDETFKTRE AIQHESGILG
PLLYGEVGDV LLIIIFKNQAS RPYNIYPHGI TDVRRPLYRRL LPKGVKHLKD
FPILPGEIFK YKWTVTVEDG PTKSDPRCLT RYSSSFVNME RDLASGLIGP
LLICYKESVD QRGNQIMSDK RNVLVFSVFD ENRSWYLLEN IQRFLPNPAG
VQLEDPEFQA SNIMHSINGY VFDSLQLSVC LHEVAYWYIL SIGAQTDFLS
VFFSGYTFKH KVMYEDILTLL FPFSGETVFM SMENPGLWIL GCHNSDFRNR
GMTALLKVSS CDKNTGDYVE DSYEDISAYL LSKNNAIEPR SFSQNPVVLK
RHQR

L鎖

EITRRTLQSD QEEIDYDDTI SVEMKKEDFD IYDEDENQSP RSFQKKTRHY
FIAAVERLWD YGMSSSPHVL RNRAQSGSVP QFKKVVVFQEF TDGSFTQPLY
RGELNEHLGL LGPYIRAEVE DNIMVFFRNQ ASRPYSFYSS LISYEEDQRQ
GAEPRCNFVK PNETKTYFWK VQHHMAPTKD EFDCKAWAYF SDVDLEKDVH
SGLIGPLLVC HTNTLNPAHG ROVTVOEFAL FFTIFDETKS WYFTENMERN
CRAPCNIQME DPTFKENYRF HAINGYIMDT LPGLVMAQDQ RIRWYLLSMG
SNENIHSIHF SGHVFTVRKK EEYKMALYNL YPGVFETVEM LPSKAGIWRV
ECLIGEHLHA GMSTLFLVYS NKCQTPLGMA SGHIRDFQIT ASGQYGQWAP
KLARLHYSGS INAWSTKEPF SWIKVDLLAP MIIHGKIQG ARQKFSSLYI
SQFIIMYSLD GKKWQTYRGN STGTLMVFFG NVDSSGIKHN IFNPPIIARY
IRLHPHTYSI RSTLRMELMG CDLNSCSMPL GMESKAISDA QITASSYFTN
MFATWSPSKA RLHLQGRSNA WRPQVNNPKE WLQVDFQKTM KVTGVTTQGV
KSLLTSMYVK EFLISSQDG HQWTLFFQNG KVKVFQGNQD SFTPVVNSLD
PPLLTRYLRI HPQSWVHQIA LRMEVLGCEA QDLY

H鎖 N41, N239 ; L鎖 N162, N470 : 糖鎖結合

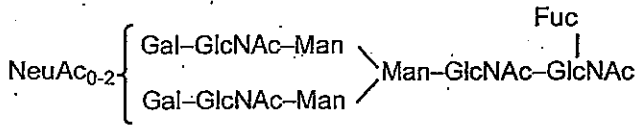
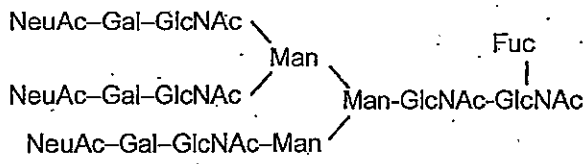
H鎖 Y346, Y718, Y719, Y723 ; L鎖 Y16, Y32 : 硫酸化

H鎖 Y395 : 部分的硫酸化

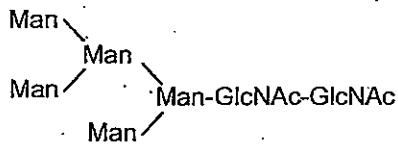
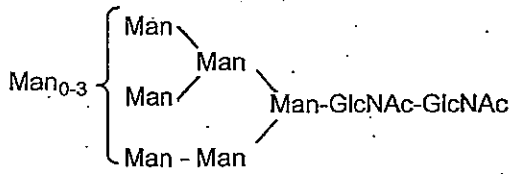
L鎖 C156 : 主な PEG 化部位

主な糖鎖の推定構造：

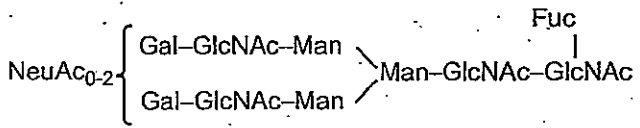
H鎖 N41



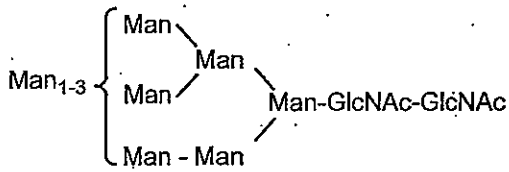
H鎖 N239



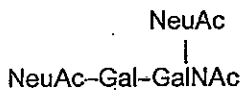
L鎖 N162



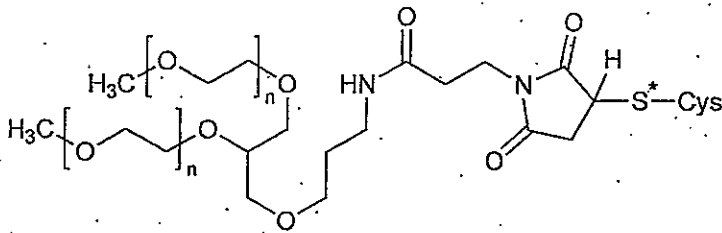
L鎖 N470



O結合型糖鎖



ポリエチレングリコールの結合様式：



* Cys残基のチオール基

C7445H11318N1984O2184S69 (タンパク質部分, 2本鎖)

H鎖 : C3895H5927N1029O1152S33

L鎖 : C3550H5391N955O1032S36

ダモクトコグ アルファ ペゴルは、遺伝子組換えヒト血液凝固第 VIII 因子類縁体 (分子量: 約 234,000) であり、タンパク質部分は、ヒト血液凝固第 VIII 因子の 1~754 番目及び 1649~2332 番目のアミノ酸に相当する。ダモクトコグ アルファ ペゴルは、754 個のアミノ酸残基からなる H 鎖及び 684 個のアミノ酸残基からなる L 鎖で構成され、Cys に置換された L 鎖の 156 番目のアミノ酸残基に、ポリエチレングリコール鎖 (平均分子量: 約 60,000) がリンカーを介して結合している。糖タンパク質部分は、1438 個のアミノ酸残基からなり、ベビーハムスター腎細胞から産生される。

Damoctocog Alfa Pegol is a recombinant human blood coagulation factor VIII analogue (molecular weight: ca. 234,000) whose protein moiety corresponds to amino acids 1 - 754 and 1649 - 2332 of human blood coagulation factor VIII. Damoctocog Alfa Pegol is composed of an H chain consisting of 754 amino acid residues and an L chain consisting of 684 amino acid residues, and a polyethylene glycol polymer (average molecular weight: ca. 60,000) is attached to amino acid residue of the L chain at position 156 which was substituted by Cys via linker. The glycoprotein is composed of 1438 amino acid residues and produced in Baby hamster kidney cells.

登録番号 26-5-B5

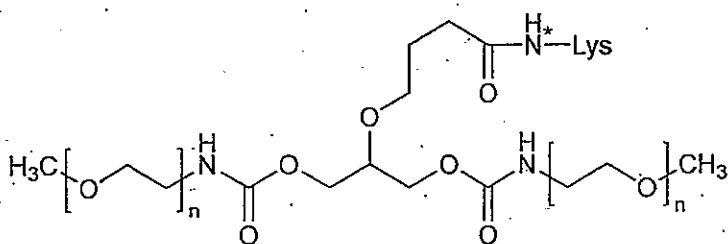
JAN (日本名) : ルリオクトコグ アルファ ペゴル (遺伝子組換え)

JAN (英名) : Rurioctocog Alfa Pegol (Genetical Recombination)

主な PEG 化部位 :

K36, K213, K437, K510, K512, K877, K962, K986, K992, K1002, K1054, K1067, K1098, K1115, K1136, K1147, K1154, K1159, K1164, K1225, K1285, K1329, K1342, K1392, K1424, K1482, K1491, K1543, K1595, K1913, K2065, K2227, K2279

ポリエチレングリコールの結合様式 :



* Lys残基のε-アミノ基

C₁₂₂₅₇H₁₇₈₆₃N₃₂₂₀O₃₅₅₂S₈₃ (タンパク質部分)

ルリオクトコグ アルファ ペゴルは、2本のポリエチレングリコール鎖 (合計の平均分子量 : 約 20,000) がルリオクトコグ アルファ (遺伝子組換え) の2または3個のLysにリンカーを介して結合した修飾糖タンパク質 (分子量 : 約 330,000) である。

Rurioctocog Alfa Pegol is a modified glycoprotein (molecular weight: ca. 330,000). Two polyethylene glycol polymers (total average molecular weight: ca. 20,000) are attached via the linker to 2 or 3 Lys of Rurioctocog Alfa (Genetical Recombination).

※ JAN 以外の情報は、参考として掲載しました。